

31.1.2024

A9-0014/138

**Alteração 138**  
**Benoît Biteau**  
em nome do Grupo Verts/ALE

**Relatório**  
**Jessica Polfjärd**

**A9-0014/2024**

Vegetais obtidos por determinadas novas técnicas genómicas e os géneros alimentícios e alimentos para animais deles derivados  
(COM(2023)0411 – C9-0238/2023 – 2023/0226(COD))

**Proposta de regulamento**  
**Capítulo II**

*Texto da Comissão*

*Alteração*

*[...]*

*Suprimido*

Or. en

31.1.2024

A9-0014/139

### **Alteração 139**

**Benoît Biteau**

em nome do Grupo Verts/ALE

### **Relatório**

**A9-0014/2024**

**Jessica Polfjärd**

Vegetais obtidos por determinadas novas técnicas genómicas e os géneros alimentícios e alimentos para animais deles derivados  
(COM(2023)0411 – C9-0238/2023 – 2023/0226(COD))

### **Proposta de regulamento**

#### **Anexo I**

*Texto da Comissão*

*Alteração*

***Critérios de equivalência entre os vegetais NTG e os vegetais convencionais***

***Suprimido***

***Um vegetal NTG é considerado equivalente a vegetais convencionais se não diferir do vegetal recetor/parental em mais de 20 modificações genéticas dos tipos referidos nos pontos 1 a 5, em qualquer sequência de ADN que partilhe semelhanças em termos de sequência com a região visada que se possam prever através de ferramentas bioinformáticas.***

***1) Substituição ou inserção de um máximo de 20 nucleótidos;***

***2) Deleção de qualquer número de nucleótidos;***

***3) Na condição de a modificação genética não interromper um gene endógeno:***

***a) Inserção dirigida de uma sequência contígua de ADN existente no património genético à disposição do obtentor;***

***b) Substituição direcionada de uma sequência de ADN endógeno por uma sequência contígua de ADN existente no património genético à disposição do obtentor;***

***4) Inversão direcionada de uma sequência de qualquer número de nucleótidos;***

AM\1295750PT.docx

PE756.833v01-00

***5) Qualquer outra modificação direcionada de qualquer dimensão, na condição de as sequências de ADN resultantes já ocorrerem (eventualmente com modificações aceites nos pontos 1 e/ou 2) numa espécie do património genético à disposição do obtentor.***

Or. en